



DIAGNOSTIK-AUFRAGSFORMULAR

SCHWEIN

⚠ Bitte Unterschriftenfeld auf Seite 2 beachten!

Datum der Probennahme

⚠ Tierarzt/Praxis/Firma

Tierarzt / Einsender

Praxis / Firma

Straße

PLZ, Ort, Land

Telefon

Fax

E-Mail

Betrieb

Name

Bezeichnung

weitere / nähere Bezeichnungen (VVO-Nr., Stall, Haus, etc.)

Straße

PLZ, Ort, Land

Telefon

Fax

E-Mail

Proben-Nr. des Einsenders

⚠ Befund an
⚠ Rechnung an

Tierarzt
Tierarzt

Betrieb
Betrieb

Befund-Kopie an

Kostenübernahme durch

Fall/Krankheitsgeschichte

Produktionsstufe

Verdachtsdiagnose

Alter

Gewicht

⚠ Vorbericht & klinische Anzeichen (Diarrhoe, Pneumonie, ZNS- Ausfallerscheinungen, post-mortale Veränderungen, ...)

Auftragszuordnung

Auftrags- teil	Probenart / Material (Bsp.: Kot)	Kennzeichnung / Beschriftung (Bsp.: Röhrchen 1 – 10)	Poolung wenn möglich und sinnvoll (Bsp.: 1 – 5 / 6 – 10)	Tierart/Produktions- stufe (Bsp.: Flatdeckferkel)	Beschreibung / Kommentar Detailbeobachtungen / -hinweise (Bsp.: wässrige Diarrhoe 1. Woche nach Absetzen)
A					
B					
C					
D					
E					

Bsp: A Tupfer; B Organe; C Serum

Pathologie

Pathologisch-anatomische Untersuchung

Auftrag (Bsp.: A, B, ...)

22060 Gezielte Probennahme

22070 Pathologisch-anatomische Befundung

26580 Pathologisch-histologische Befundung folgender Gewebe: 1

26590 Immun-Histologie folgender Gewebe: 1

Parasitologie

Auftrag (Bsp.: A, B, ...)

26640 Flotation (Untersuchung auf Wurmeier und Kokzidien)

10561 Cystoisospora suis (PCR)

22180 Cryptosporidium parvum (PCR)

Virologie

Kulturelle Untersuchung

Auftrag (Bsp.: A, B, ...)

26620 Isolierung Rotavirus A (RVA)

26630 Isolierung Influenza A (SIV)

10558 Isolierung Encephalomyocarditisvirus (EMCV)

26760 Isolierung Porzines Teschovirus 1 (PTV-1)

Isolierung sonstige:

Diagnostikpaket

Auftrag (Bsp.: A, B, ...)

18170 Diagnostikpaket „Saugferkeldiarrhoe“

Hierin enthalten:

Je Ferkel / Kotprobe / 3 Rektumtupfer* / Darmabschnitt (ideal sind Proben von min. 3 Ferkeln):

- BUs inkl. allgemeiner und spezieller Enterokokken- sowie Clostridien-Anreicherungen (Cl. perf., Cl. diff.)
- Antibiogramme (MHK)
- Relevante Nachweis-PCRs (Coronavirus (TGE / PED), Rotavirus (A / C))
- Je nach Nachweis relevante Charakterisierungs-PCRs inkl. Toxogene (Cl. perf., Cl. diff.), E. coli Virulenzfaktoren (Saugferkel))

Nicht enthalten:

- Virusanzucht (Rotavirus A)
- Gezielte Probenentnahme bei Einsendung ganzer Ferkel

* für das Diagnostikpaket „Saugferkeldiarrhoe“ werden 3 Tupfer benötigt / für Cl. difficile nur Kot oder Darm



Bakteriologie

Auftrag (Bsp.: A, B, ...)

18060 Aerobe kulturelle Untersuchung mit Durchführung relevanter Standardcharakterisierungen & -typisierungen und Resistenztest
MHK ADT

Standardcharakterisierungen und -typisierungen der Isolate (Erreger- und lokalisationsabhängig)

26400 *Actinobacillus pleuropneumoniae* (Serotyp 1–19) Kapselgen-PCR ²
20200 *Clostridioides difficile* (Toxigen A / B PCR) ²
20210 *Clostridium perfringens* (Major- & Minor-toxingene PCR) ²
26460 *E. coli* PCR Saugferkel (Virulenzfaktoren 19x) ²
26470 *E. coli* PCR Absatzferkel (Virulenzfaktoren 16x) ²
26430 *Glaesserella parasuis* (GPS) Kapselgen-PCR ²
20110 *Salmonella* Typisierung (n. Kauffmann-White-Schema) ²
26490 *Streptococcus suis* Kapselgen-PCR ²

18060 Explizit keine Typisierung und Charakterisierung nach aerober Kultur gewünscht (nur BU und Resistenztest!)

MHK ADT

Zusätzliche Spezial-Anreicherungen

18850 *Brachyspira* Anreicherung
26601 *Clostridioides difficile* Anreicherung
26602 *Clostridium perfringens* Anreicherung
10264 Enterokokken Anreicherung
20090 Mykoplasmen Anreicherung
18260 Salmonellen Anreicherung

Weitere:

Zusätzliche Charakterisierungen und Typisierungen von Isolaten

Nicht in Standardcharakterisierung enthalten

26410 *Actinobacillus pleuropneumoniae* (APXI, APXII, APXIII) PCR ²
26810 *Brachyspira hyodysenteriae* MLST ²
10266 *Glaesserella parasuis* (GPS) Virulenzmarker-PCR ²
10664 *Glaesserella parasuis* MLST ²
29330 *Pasteurella multocida* Kapseltypisierung (A, B, D, E, F) ²
26340 *Pasteurella multocida* Toxin A ²
10283 *Staphylococcus hyicus* Virulenzgen-PCR ²
26500 *Streptococcus suis* Virulenzgen-PCR ²
10643 *Streptococcus suis* MLST ²
10644 16S-Sequenzierung
18090 Bestätigung durch MALDI-TOF MS (nur für Isolateneinsendung / Einmal-Target)

⚠ Isolate für die Herstellung von Impfstoffen asservieren?

Ja Nein

Serologie

Auftrag (Bsp.: A, B, ...)

20870 *Actinobacillus pleuropneumoniae* (APP)
26550 APP (Serotypen 1 – 12)
20940 Aujeszky'sche Krankheit (AK) ⁵
20910 Brucellose ⁵
20570 *Erysipelothrix rhusiopathiae* (Rotlauf)
26510 *Glaesserella parasuis* OppA Antikörper (GPS)
10527 IgG Bestimmung im Kolostrum / Blutserum
10366 IgG Bestimmung im Kolostrum (refraktometrisch)
20930 Influenza A (SIV)
26560 Influenza A (SIV) (Subtypisierung im HAH)
26520 *Lawsonia intracellularis*
26570 Leptospiren pathogene (MAT)
20880 *Mycoplasma hyopneumoniae*
20890 *Porzines Parvovirus* (PPV)
20950 *Porzines Circovirus 2* (PCV2) (IgG / IgM)
20900 *Porcine Reproductive and Respiratory Syndrome Virus* (PRRSV)
20960 *Salmonella* spp.
26540 *Sarcopes scabiei* var. suis IgG ELISA

Wir bestätigen, dass das Tier- / Organmaterial **nicht*** aus einem Bestand innerhalb eines tierseuchenrechtlichen Restriktionsgebietes stammt.
(*wenn nicht zutreffend, bitte streichen!)

Von Tierkörpern aus Niedersachsen wird automatisch eine Probe für das ASP/KSP Monitoring ans Laves geschickt.

¹Generell nur bei frischem (Darm innerhalb 2 h p.mort.) oder an direkt Formalin fixiertem Probenmaterial sinnvoll. ² Typisierungs-PCRs sind nicht paketfähig

³ Diese PCRs werden einzeln je Untersuchung gem. aktueller Preisliste berechnet. Sie sind nicht paketfähig. ⁴Nur in Verbindung mit *Pasteurella multocida* Screening-PCR als PCR Paket (2 Parameter).

⁵ Nur Ausschlussdiagnostik. ⁶ Nur für deutsche Kunden verfügbar. Proben müssen über die PathoSense APP angemeldet werden.

Molekularbiologie / PCR

Viren- / Parasiten-Nachweis PCRs (Typisierungen / Charakterisierungen)

Auftrag (Bsp.: A, B, ...)

29210 Afrikanische Schweinepest (ASP) ⁵
10561 *Cystoisospora suis*
20270 Influenza A (SIV) Screening-PCR
26450 Influenza A (SIV N- / H-Typisierung) ³
10662 Influenza A Vollgenomsequenzierung
21740 Klassische / Europäische Schweinepest (KSP / ESP) ⁵
20740 *Porzines Parvovirus* (PPV)
20241 *Porzines Circovirus 2* (PCV-2) (qualitativ)
20242 *Porzines Circovirus 2* (PCV-2) (quantitativ GE / g) ³
10069 PCV-2 Genotypisierung (a-d) ³
10363 PCV-2 Sequenzierung
26370 *Porzines Circovirus 3* (PCV-3)
10570 *Porzines Epidemisches Diarrhoe Virus* (PEDV)
26350 *Porcine Reproductive and Respiratory Syndrome Virus* (PRRSV-1 (EU), PRRSV-2 (NA))
10559 PRRSV Sequenzierung (ORF 5+7)
26440 PRRSV Sequenzierung (ORF 5)
24820 PRRSV Sequenzierung (ORF 7)
10661 PRRSV Vollgenomsequenzierung
24850 *Porzines Teschovirus* (PTV-1)
10567 *Rotavirus A* (RVA)
26480 *Rotavirus A* Sequenzierung (2x VP)
10568 *Rotavirus C* (RVC)
10663 *Rotavirus C* Sequenzierung (2x VP)
10569 *Transmissibles Gastroenteritis Virus* (TGEV)

Next-Generation-Sequencing / Third-Generation-Sequencing

10557 Ungerichtete Sequenzierung mittels Illumina
10997 Ungerichtete Sequenzierung mittels Nanopore ⁶
in Kooperation mit PathoSense
10662 Influenza A Vollgenomsequenzierung
10661 PRRSV Vollgenomsequenzierung

Bakterien-Nachweis PCRs (Typisierungen / Charakterisierungen)

Auftrag (Bsp.: A, B, ...)

21720 *Actinobacillus pleuropneumoniae* (APP) (Screening-PCR)
26400 App (Serotyp 1 – 19) Kapselgen-PCR ³
10528 *Bordetella bronchiseptica*
21730 *Brachyspira* spp. (Screening-PCR)
10563 *Brachyspira hyodysenteriae*
10565 *Brachyspira pilosicoli*
10562 *Brachyspira hampsonii*
15564 *Brachyspira innocens*
10566 *Brachyspira intermedia*
20180 *Campylobacter* spp. (Screening-PCR) (C. coli, C. jejuni, C. lari)
(inkl. Voranreicherung) ³
10571 *Campylobacter coli* (inkl. Voranreicherung) ³
10572 *Campylobacter jejuni* (inkl. Voranreicherung) ³
10573 *Campylobacter lari* (inkl. Voranreicherung) ³
20190 *Chlamydia* spp. (Screening-PCR)
22180 *Cryptosporidium parvum*
26380 *Erysipelothrix rhusiopathiae* (Rotlauf)
22170 *Escherichia coli* Stx2e (Shigatoxin) Direktnachweis
10439 *Escherichia coli* F18 Direktnachweis
26330 *Glaesserella parasuis* (GPS) (Screening-PCR)
26430 GPS (Serotypisierung) Kapselgen-PCR ³
18120 *Lawsonia intracellularis*
22090 *Leptospira* spp. (pathogene)
26310 *Mycoplasma hyopneumoniae*
26390 *Mycoplasma hyosynoviae*
26320 *Mycoplasma hyorhinis*
24120 *Mycoplasma suis*
21780 *Pasteurella multocida* (Screening-PCR)
26340 *Pasteurella multocida* Toxin A ⁴
20260 *Salmonella* Enterica (inkl. Voranreicherung) ³
23750 *Streptococcus suis* (Screening-PCR)

Ort / Datum

Unterschrift des Auftraggebers / Einsenders